

Diversité Génétique et Variabilité du Pouvoir Pathogène chez *Colletotrichum kahawae*, Agent de l'Anthracnose des Baies de *Coffea arabica*

D. BIEYSSE¹, E. BOMPARD¹, BELLA MANGA², V. ROUSSEL¹, C. VERGNES¹

¹CIRAD-CP - phytopathologie, BP 5035, F - 34032 Montpellier Cedex 1, France

²IRA Cameroun, BP 2067, Yaoundé, Cameroun

RÉSUMÉ

L'anthracnose des baies de caféier arabica (ou CBD) provoque des dégâts sur fruits pouvant atteindre 80% de la production en l'absence de traitements. Le champignon responsable de la maladie est le *Colletotrichum kahawae*.

Toutefois, une grande diversité des populations de *Colletotrichum* spp existe sur les différents organes du caféier arabica et leur niveau de spécialisation est peu connu. L'étude de la variabilité du pathogène a été conduite avec une gamme d'isolats d'origines géographiques différentes prélevée sur divers organes du végétal. Le test de pathogénie sur baies et sur semenceaux a permis de séparer les souches pathogènes sur baies, des souches non pathogènes et de mettre en évidence la variabilité du pouvoir pathogène sur deux variétés.

Ensuite, l'analyse de la diversité génétique par la méthode des Groupes de Compatibilité Végétative a permis de distinguer deux groupes parmi les souches pathogènes: le premier correspondant aux isolats camerounais et le second aux isolats d'Afrique de l'Est, ce dernier pouvant regrouper plusieurs populations. L'existence d'une "souche-pont", selon la définition de KATAN (1991), a aussi été observée. Enfin, l'étude des interactions hôte-pathogène sur des Sarchimor et des Catimor a montré des réactions de spécificité vis-à-vis de quelques souches. Ainsi, quelques plantes pourraient être considérées comme plantes différentielles.